



Riunione congiunta di tutti i Gruppi di Lavoro SIGU “Analisi della metilazione genome-wide in diagnostica genetica”

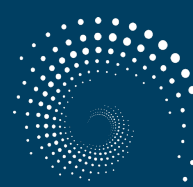
**Responsabile Scientifico:
Andrea Riccio**



WEBINAR *live*

**18 settembre – 19 settembre 2020
14.00-17.00**

Via Libero Temolo, 4 - 20126 Milano
Tel.: +39 02 45498282
webinar@biomedia.net
www.biomedia.net



BIOMEDIA
La condivisione del sapere

RAZIONALE

La diffusione delle metodiche per l'analisi genome-wide della metilazione ha permesso negli ultimi anni di individuare dei profili specifici (signatures) per molte malattie mendeliane. Questi profili sono di supporto alle tecniche di diagnosi molecolare tradizionali e contribuiscono alla valutazione funzionale delle VUS. In parallelo, i profili di metilazione genomica sono stati correlati con l'invecchiamento e il rischio di mortalità e di sviluppare malattie multifattoriali, nonché utilizzati come biomarcatori nei tumori. Questo Riunione congiunta GdL Epigenetica, Molecolare, Clinica, Forense, Farmacogenetica, Oncogenetica, Sanità ha l'obiettivo di fare il punto sullo stato dell'arte dell'analisi di metilazione genome-wide trattandone gli aspetti clinici, di ricerca e le potenzialità diagnostiche.

PROGRAMMA 18 settembre – 14.00 – 16.30

Moderatori: *Paola Borgiani, Corrado Romano*

14.00-14.10 **Apertura dei lavori e Introduzione**

Andrea Riccio (Caserta)

14.10-14.50 **DNA methylation epi-signatures in genetic diseases**

Bekim Sadikovic (London, Canada)

15.10-15.30 **Profilo di metilazione del DNA nelle cromatinopatie**

Giuseppe Merla (Foggia)

15.30-15.50 **Difetti di metilazione multipli nei disordini dell'imprinting**

Silvia Russo (Milano)

15.50-16.10 **Mutazioni ad effetto materno e disordini della metilazione**

Angela Sparago (Caserta)

16.10-16.30 **Trasmissione madre-figlio del profilo di metilazione: evidenze di concordanza e correlazioni con gli esiti neonatali**

Monica Miozzo (Milano)

16.30 **Discussione e conclusioni**

PROGRAMMA 19 settembre – 14.00 – 17.15

Moderatori: *Elisabetta Lenzini, Isabella Torrente, Daniela Turchetti*

14.00-14.10 **Apertura dei lavori e Introduzione**

Andrea Riccio (Caserta)

14.10-14.50 **Metilazione del DNA e orologio biologico**

Davide Gentilini (Cusano Milanino)

14.50-15.10 **L'effetto dell'ambiente preconcezionale ed intrauterino sulla prole e la sua salute futura**

Silvia Tabano (Milano)

15.10-15.30 **Studi di associazione epigenomica e fenotipi complessi**

Giuseppe Matullo (Torino)

15.30-15.50 **Alterazioni globali della metilazione nei tumori**

Rossella Tricarico (Pavia)

15.50-16.10 **Metilazione del DNA circolante quale marker di rischio oncologico**

Ludovic Barault (Torino)

16.10-16.30 **Farmacoepigeneica dei tumori umani**

Fabio Coppedè (Pisa)

16.30-16.50 **Mosaicismi placentari e disomie uniparentali**

Francesca Romana Grati (Busto Arsizio)

16.50-17.10 **Il punto di vista del genetista clinico sull'analisi della metilazione**

Giovanni Battista Ferrero (Torino)

17.15 **Conclusioni**

INFORMAZIONI GENERALI

Il webinar non è accreditato ECM ed è a titolo gratuito.

MODALITÀ DI ISCRIZIONE

L'iscrizione è gratuita per i soci SIGU in regola con la quota associativa 2020
Le iscrizioni sono aperte al seguente link:

<https://www.biomedica.net/corsi-convegni/evento-home/3061>

CORSO FAD ECM

Gli iscritti al Webinar potranno partecipare gratuitamente ad un'iniziativa FAD ECM con approfondimenti sulle tematiche connesse all'argomento di questo Webinar, disponibile a partire dal 23 settembre 2020.

I soci SIGU in regola con il pagamento della quota associativa 2020 potranno partecipare a titolo gratuito al corso FAD.

Per maggiori informazioni consulta il sito www.biomedica.net

CONTATTI:

sigu@biomedica.net